

SVT - LIZEAUX - BAUDE T^{le} S (Éd. 2008) - Ress. A SUPPR

Redmine 18375

Liste des ressources

Partie V - SIDA et défenses immunitaires

- Modèles moléculaires :

Doc 1 - p.374 - Modèle moléculaire théorique d'un anticorps entier (fichier pdb) • anticorps_doc1p374.pdb

- Modèles moléculaires :

Doc 1 - p.374 - Protocole détaillé permettant la visualisation 3D d'un anticorps entier (word) • doc1_p374.doc

- Modèles moléculaires :

Doc 2 page 374 - Séquences pour Anagène - Chaîne H (fichier edi) • p374-doc2_Chaine_H.edi

- Modèles moléculaires :

Doc 2 - p.374 - Séquences pour Anagène - chaînes L (fichier edi) • p374_doc2_Chaine_L.edi

- Modèles moléculaires :

Doc 3 - p.375 - Modèle moléculaire du fragment Fab d'un anticorps lié au déterminant antigénique correspondant (lysozyme) (.pdb)
• doc3p375lysozyme.pdb

- Modèles moléculaires :

Doc 3 - p.375 - Modèle moléculaire fragment Fab d'un anticorps lié au déterminant antigénique correspondant (GP 24 du VIH)(.pdb)
• doc3p375gp24.pdb

- Documents à télécharger :

Doc 3 - p.375-Protocole détaillé permettant visualisation et comparaison du site de fixation à l'antigène des 2 anticorps (word) • doc3_p375.doc

- Outils :

Logiciel WinMDI à télécharger depuis le site "The Scripps Research Institute" • wm29w98.zip

- Documents à télécharger :

Doc. 1 page 384 - Protocole détaillé : Exploitation de données de cytométrie en flux avec le logiciel WinMDI • doc1_p384.doc

- Documents à télécharger :

p.404 - ECE - Utilisation du logiciel «WinMDI» • p404.doc

- Outils :

p.404 - ECE - Fichier de données à utiliser avec le logiciel « WinMDI » • H05220.347

- Modèles moléculaires :

p.406 - ECE - Modèle moléculaire de l'anticorps 1ACV (fichier pdb) • 1ACV.pdb

- Modèles moléculaires :

p.406 - ECE - Modèle moléculaire de l'anticorps 1F58 (fichier pdb) • 1F58.pdb

- **Modèles moléculaires :**

p.406 - ECE - Séquences pour Anagène (fichier edi) : séquences d'acides aminés des deux chaînes des deux anticorps • antiVIH.edi

- **Modèles moléculaires :**

p.407 - ECE - Séquences pour Anagène (fichier edi) : séquences d'acides aminés des deux chaînes de différents récepteurs T • tcr-seq.edi